

GENOTIPIZZAZIONE HCV

Gen-C 2.0

**Identificazione
dei genotipi
da 1 a 7
e numerosi
sottotipi**

Gen-C 2.0 è un saggio ad ibridazione inversa su striscia per la genotipizzazione del virus dell'epatite C (HCV).

Il test consente di identificare i genotipi e sottotipi virali più comuni, discriminandoli sulla base delle variazioni trovate nelle regioni 5' non tradotta (5' UTR) e Core del genoma di HCV.



Target

5'UTR e CORE del genoma di HCV



Tecnologia

Ibridazione inversa su striscia



Materiale di partenza

Plasma



Caratteristiche prestazionali

- Specificità: 100%
- Sensibilità: 100%



**REAGENTI
PRONTI ALL'USO**



**ALTA SENSIBILITÀ
E SPECIFICITÀ**



**CONTROLLI
DI AMPLIFICAZIONE
E DI RIVELAZIONE**

CE
0459



Nuclear Laser Medicine srl
www.nlm.it

IVD

Flusso di lavoro

Estrazione
RNA



Amplificazione
RNA



RDB



Analisi
dei risultati



Genotipi:

1, 2, 3, 4, 5, 6, 7

Sottotipi:

1a, 1b, 2a/2c, 2b, 3a,
3b, 3c, 3k, 4a, 4b,
4c/4d, 4e, 4f, 4h, 5a,
6a/6b, 6g, 6m, 6t, 7a

COMPATIBILITÀ

- Amplificazione acidi nucleici con **HCV RNA Real Time Qualitativo 2.0**, cod. NLM AA896/24

RIVELAZIONE

- Manuale
- Tecan ProfiBlot™ T48 o strumento equivalente

Nome	Codice
HCV RNA Real Time Qualitativo 2.0	AA896/24
GEN-C 2.0	AC004/24



NUCLEAR LASER MEDICINE S.R.L.

Viale delle Industrie, 3
20049 Settala (Milano) - ITALIA
TEL. 02 952451 - FAX 02 95245237.8
segreteria@nlm.it
www.nlm.it